

L'IRIT contribue au développement de thérapies préventives des maladies virales



Nicolas Dobigeon, maître de conférences à l'INP-ENSEEIHIT et chercheur à l'IRIT, au sein de l'équipe SC est le co-auteur d'une étude [1] menée conjointement entre plusieurs universités américaines et des chercheurs français, pour tenter d'identifier ce qui, dans nos gènes, explique que certaines personnes, en contact avec le virus grippal, tombent malades tandis que d'autres non.

Il a proposé l'une des principales méthodes d'analyse, appelée « démélange linéaire bayésien » dans le cadre de cette étude. Initialement développée en vue de l'analyse d'images satellitaires de la Terre, cette technique a permis d'identifier les groupes de gènes qui sont associés aux symptômes de la grippe et qui sont communs à toute personne en contact avec le virus. Cette méthode a alors mis en évidence que ces groupes de gènes s'expriment différemment pour des personnes qui déclarent la maladie et des personnes qui restent en bonne santé. Il serait donc possible de détecter une maladie précocement, permettant aux gens de prendre des précautions et peut-être même de prévenir les pires symptômes.

Liens presse

- <http://www.ladepeche.fr/article/201...>
- <http://sante.lefigaro.fr/actualite/...>

[1] Références complètes de l'étude : Huang Y, Zaas AK, Rao A, Dobigeon N, Woolf PJ, et al. (2011) "Temporal Dynamics of Host Molecular Responses Differentiate Symptomatic and Asymptomatic Influenza A Infection". PLoS Genet 7(8) : e1002234)